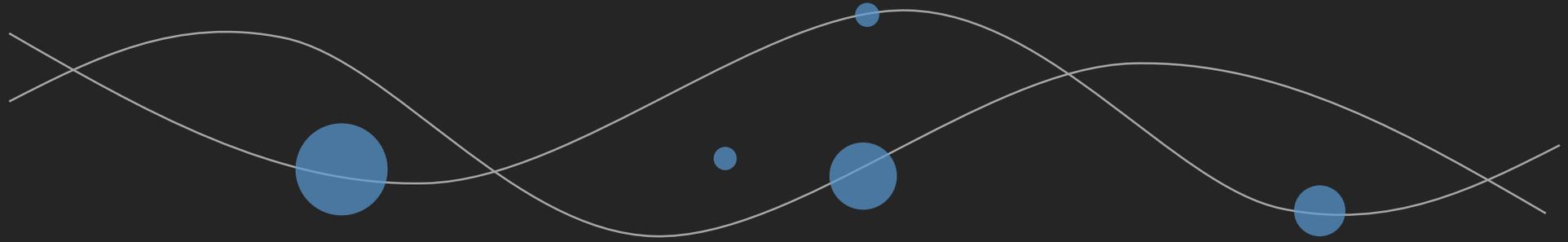


# 開課設定

eCourse2 教學



# 說明

---

此文件用於說明中正大學替下學期課程進行開課後，教師需要在學生選課前進行的操作。

## 教材/活動說明:

教材 = 不能互動的資源，如投影片、檔案、影片連結等等。

活動 = 可以互動的資源，如作業、測驗、討論區、同儕互評等等。

# CONTENTS

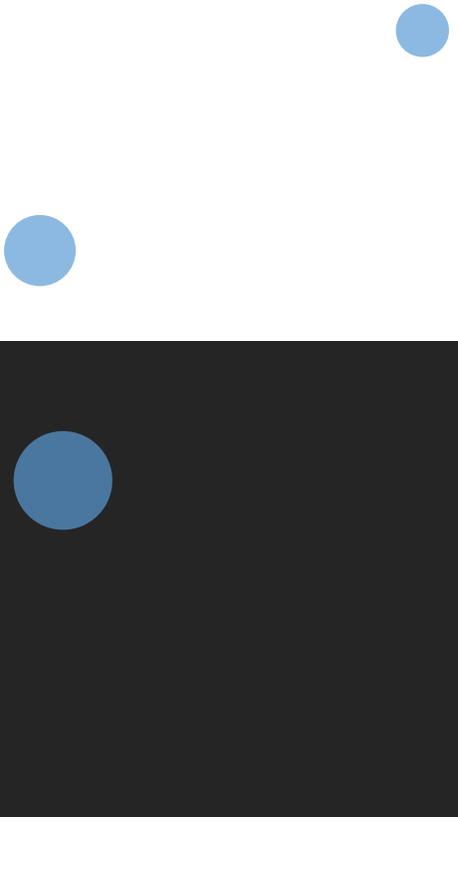
01 進入課程

02 匯入教材/活動

03 隱藏教材/活動

04 刪除教材/活動

05 其他



» 01 進入課程

# 進入課程

本範例以109學年上學期末，欲處理109學年下學期的課程為例。

由於是操作下學期的課程，因此須從儀表板中的“我的課程”區塊操作來進入課程。

方法1: 點選“未來”，即可顯示尚未開始的課程

方法2: 點選Filter展開下拉選單，並點選所需的學期。

The screenshot displays the '我的課程' (My Courses) dashboard. On the left, there is a sidebar with a calendar for March 2021 and a list of course notifications. The main area shows a grid of course cards. A filter dropdown menu is open, showing options for '全部(不含隱藏的)', '進行中', '未來', '過去', and '109學年下學期'. The '未來' (Future) option is highlighted in red, and the '109學年下學期' (109 Spring Semester) option is also highlighted in red. The course cards include details such as '資訊工程學系 | 109\_2\_4102 計算方法概論' and '雲端計算與物聯網數位學習碩士在職專班 | 109\_2\_411A007\_01 專題(-)'. The '顯示' (Display) dropdown is set to '所有' (All).

# 進入課程

本範例以109學年上學期末，欲處理109學年下學期的課程為例。

點選課程以進入課程。

我的課程

進行中 未來 過去 109學年下學期

最後訪問的 卡片

資訊工程學系   109_2_4102068_01 計算方法概論	雲端計算與物聯網數位學習碩士在職專班   109_2_411A007_01 專題(一)	雲端計算與物聯網數位學習碩士在職專班   109_2_411A015_01 論文(二)
雲端計算與物聯網數位學習碩士在職專班   109_2_411A014_01 專題(二)	雲端計算與物聯網數位學習碩士在職專班   109_2_411A008_01 論文(一)	資訊工程研究所   109_2_4105926_01 高通量定序資料之生物資訊分析技術檢視角色 論文(一)

顯示 所有

# » 02 匯入教材

# 匯入教材

本範例以109學年上學期末，欲處理109學年下學期的課程為例。

剛開設的課程會有兩種情形：

1. 在eCourse2上有相同“課程代碼”且“教師”一模一樣的課程，則eCourse2會自動複製最近一期的課程。  
(若有多位老師合開，只要有一位不同，即不會自動複製)
2. 若無，則預設課程會有兩個空的單元。

我的課程 • 課程資訊 • 教材與活動 •

高通量定序資料之生物資訊分析技術 **公告及討論區的內容並不會被複製**

最新公告

綜合討論區

課程內容

投影片

1. Introduction to High Throughput Sequencing

2. Fundamental Alignment Algorithms

3. Multiple Sequence Alignment

4. String Indices for Alignment

5. de Bruijn graph assembly

6. Overlap Graph Assembly

7. Overlap Graph Minimizer for minimap

8. DIAMOND - DNA to Protein Alignment

9. Flye Assembler

10. Overlap vs de Bruijn assembly

作業

註:作業這個活動本身會被複製, 但學生繳交的作業、測驗內容等等並不會被複製

# 情形1:系統自動複製內容

若eCourse2上已有同課程代碼, 且教師名單一模一樣的課程, 則進入課程後可以看到系統自動複製之前的課程內容, 若老師希望依照課程進度慢慢開放內容, 可以利用系統的隱藏功能來隱藏單元或是教材/活動。



我的課程 ▾ 課程資訊 ▾ 教材與活動 ▾

專題(一) 檢視角色 選擇角色 啟動編輯模式

雲端計算與物聯網數位學習碩士在職專班 / 專題(一)

**最新公告** + ↗

目前沒有任何內容。

**綜合討論區** + ↗

目前沒有任何內容。

**課程內容** + | ▽

將檔案拖放到課程單元中  
尊重著作權，上傳檔案前  
點擊每個單元的標題空白處可以展開或收起單元，展開時可以看到活動名稱、作業、影片連結、資料夾、新增活動或資源。

**單元 1** ↗

**單元 2** ↗ ⚙ ☆ ✍ 🗑 ⛶

活動名稱 📁 作業 🎥 影片連結 📁 資料夾 + 新增活動或資源

預設會有兩個空的單元，白色底表示未展開，點擊後可展開，藍色底為已展開的單元。

# 情形2:使用系統課程範本

空的課程會自動建立兩個空的單元

# 匯入教材

本範例以109學年上學期末，欲處理109學年下學期的課程為例。

若建立好的課程不符合您的需求，可進行匯入教材。

匯入教材有3種情形：

1. 匯入ecourse、cyberccu上的教材，這部分請參考[“教師及助教使用教學”](#)中“課程教材與活動”單元內“教材上傳及匯入舊(ecourse、cyberccu)教材”文件來匯入教材。
2. 複製自己在eCourse2上開設的其他課程內容過來，此份文件將會說明如何進行，**此功能請由老師操作，助教權限不足，不提供助教使用此功能。**
3. 建立新內容，請參考[“教師及助教使用教學”](#)中“課程教材與活動”單元建立各式資源。

我的課程 • 課程資訊 • 教材與活動

### 高通量定序資料之生物資訊分析技術

資訊工程研究所 / 高通量定序資料之生物資訊分析技術

最新公告

綜合討論區

課程內容

投影片

活動名稱

- 1. Introduction to High Throughput Sequencing
- 2. Fundamental Alignment Algorithms
- 3. Multiple Sequence Alignment
- 4. String Indices for Alignment
- 5. de Bruijn graph assembly
- 6. Overlap Graph Assembly
- 7. Overlap Graph Minimizer for minimap
- 8. DIAMOND - DNA to Protein Alignment
- 9. Flye Assembler
- 10. Overlap vs de Bruijn assembly
- Long-read human genome sequencing and its applications

作業

活動名稱

期末報告論文與投影片

自動複製來的單元，  
包含單元內的教材與活動

Copyright © 2019 版權為國立中正大學資訊處所有 隱私權政策 服務窗口 關於eCourse2

# 複製其他課程內容

匯入課程會將新的內容“附加”在現有的內容後面，因此若不需要現在課程的內容，請先參考“[刪除教材](#)”章節來將現有的內容刪除。





# 複製其他課程內容

此操作必須由老師進行，助教使用會因權限不足而失敗。

1. 點選“課程設定”icon
2. 點選“匯入”



# 複製其他課程內容

1. 課程選擇 ▶ 2. 初始設定 ▶ 3. 架構設定 ▶ 4. 確認和檢查 ▶ 5. 進行匯入 ▶ 6. 完成

找到匯入資料的課程:

選擇課程

課程總數：6

課程簡稱	課程全名
<input checked="" type="radio"/> 109_2_4102068_01	計算方法概論
<input type="radio"/> 109_2_4105926_01	高通量定序資料之生物資訊分析技術
<input type="radio"/> 109_2_411A007_01	專題(一)
<input type="radio"/> 109_2_411A008_01	論文(一)
<input type="radio"/> 109_2_411A014_01	專題(二)
<input type="radio"/> 109_2_411A015_01	論文(二)

選擇課程後，  
按繼續進行

← 可於此輸入關鍵字搜尋課程

3. 若您的課程很多，您可以輸入關鍵字來搜尋課程，例如輸入4105926可以搜尋課程編號為4105926的課程，也可以輸入課程名稱例如“高通量”則會列出您所開設，且課程名稱內有“高通量”的課程。

4. 選擇課程後，按繼續進行。◀◀

1. 課程選擇 ▶ 2. 初始設定 ▶ 3. 架構設定 ▶ 4. 確認和檢查 ▶ 5. 進行匯入 ▶ 6. 完成

### 匯入設定

包含各種活動和資源

包含各種區塊

Include files

包含過濾器

包含行事曆事件

包含題庫

包含群組和分群

Include custom fields

← 取消此項目

Include content bank content

跳到最後一步驟

取消

下一個

# 複製其他課程內容

5. 取消勾選“Include custom fields”。
6. 若不需要複製群組，可取消勾選“包含群組和分群”。
7. 若不需要複製題庫，可取消勾選“包含題庫”



## 高通量定序資料之生物資訊分析技術

資訊工程研究所 / 高通量定序資料之生物資訊分析技術 / 匯入

檢視角色 選擇角色 ▾

1. 課程選擇 ▶ 2. 初始設定 ▶ 3. 架構設定 ▶ 4. 確認和檢查 ▶ 5. 進行匯入 ▶ 6. 完成

包含：

**選取**  
所有 / 無 (顯示類型的選項)

General

公佈欄

出缺席

綜合討論區

上半學期教材-Complexity analysis of sorting-like algorithms

1. Introduction to Algorithms

1. Introduction to Algorithms

2. Growth of Functions (I)

Growth of Functions (I) (20210225)

3. Growth of Functions (II)

Growth of Functions (II)(20210302)

4. Recurrence

Recurrence(20210304)

5. Heapsort

6. Quicksort

Quicksort(20210311)

7. Order Statistic

Order Statistic(20210316)

8. Lower Bound of Sorting Algorithms

Lower Bound of Sorting Algorithms(20210318)

← 取消此項目

先前的

取消

下一個

# 複製其他課程內容

8. 取消勾選"General"，公佈欄、出缺席及綜合討論區不要複製。
9. 可根據需求勾選或取消勾選單元或是教材/活動。
10. 確認完成後點選"下一個"繼續



我的課程 - 課程資訊 - 教材與活動

高通量定序資料之生物資訊分析技術

課程資訊 / 高通量定序資料之生物資訊分析技術 / 匯入

1. 課程選擇 ▶ 2. 初始設定 ▶ 3. 新增單元 ▶ 4. 確認和檢查 ▶ 5. 執行匯入 ▶ 6. 完成

匯入設定

包含各種活動和資源 ✓

包含各種區塊 ✓

Include files ✓

包含課程簿 ✓

包含行事曆事件 ✓

包含簡章 ✓

包含課程和分類 ✓

Include custom fields ✗

Include content bank content ✓

包含明碼：

General ✗

公佈欄 ✗

出缺席 ✗

綜合討論區 ✗

上學期教材 Complexity analysis of sorting-like algorithms ✓

1. Introduction to Algorithms ✓

1. Introduction to Algorithms ✓

2. Growth of Functions (I) ✓

略

8. Lower Bound of Sorting Algorithms ✓

Lower Bound of Sorting Algorithms(20210318) ✓

上學期教材 Dynamic programming problems ✓

9. Dynamic Programming I ✓

10. Dynamic Programming II ✓

Midterm 2018 ✓

11. Dynamic Programming III ✓

12. Greedy Algorithm ✓

略

Homework ✓

Homework 1 ✓

Homework 2 ✓

先前的 取消 執行匯入

在此列表中標上 的，是必須的欄位

確認這些項目  
沒有勾選

# 複製其他課程內容

- 11. 確認Include custom fields、公佈欄、出缺席、綜合討論區沒有被勾選。
- 12. 確認其餘單元、教材是您所需要的。
- 13. 確認完成後點選”執行匯入“繼續



1. 課程選擇 ▶ 2. 初始設定 ▶ 3. 架構設定 ▶ 4. 確認和檢查 ▶ 5. 進行匯入 ▶ 6. 完成

匯入已經完成，請擊點繼續以回到課程。



繼續

#### 技術訊息和警告

setting controller status to 700

saving controller to db

calculating controller checksum c16f133952ed7c85cec1d43a4baee9de

setting controller status to 600

saving controller to db

calculating controller checksum 0e77102f8910b5f3812abfb398eb7f97

# 複製其他課程內容

14. 等待進度條跑完。
15. 技術訊息和警告可忽略。
16. 匯入完成後點選繼續，回到課程。



# 複製其他課程內容

尚有4個隱藏單元，您可點擊+來顯示隱藏的單元。

! ? ⚠️ ⚙️ 有疑問嗎? | ⚙️ 服務窗口 | ⚙️ 關於eCourse2

Copyright © 2019 版權為國立中正大學資訊處所有 隱私權聲明 個資收集

Homework

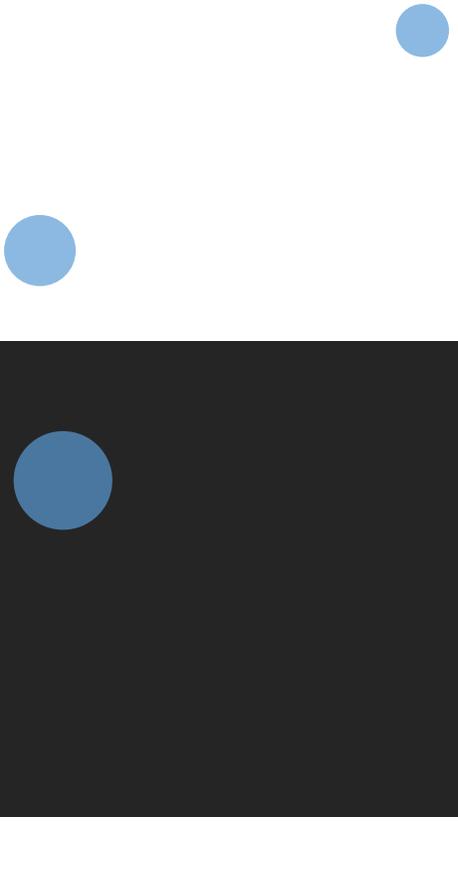
活動名稱 作業 影片連結 資料夾 + 新增活動或資源

- Homework 1  
作業繳交期限到 4/22 23:59，請自行注意  
作業上傳請以PDF檔案上傳，檔名用學號+姓名 (e.g. 4074XXXX\_陳XX)
- Homework 2  
同學們好:  
Homework 2 繳交期限至 6/10(三) 23:59，請依照以下規定繳交檔案。  
-----  
檔案格式如下所示:  
1. 檔案之副檔名為.pdf。  
2. 檔名格式: 學號\_姓名.pdf。  
(e.g. 4074XXXX\_陳XX.pdf)  
  
遲交者此作業總分打六折計算之，三天後不得補交，意即6/10(三) 23:59過後才繳交作業者將以此作業總分打六折後為實得分數，而在6/13(六) 23:59後仍未繳交作業者，則已無法繳交作業，該次作業0分計算，請各位同學注意期限，謝謝

! ? ⚠️ ⚙️ 有疑問嗎? | ⚙️ 服務窗口 | ⚙️ 關於eCourse2

16. 若新的課程單元數比原先多，您會在畫面最下方看到上圖的說明。
17. 此時您可點擊+號來增加單元，如下圖，將所有單元都顯現出來後該文字即會消失，則匯入課程完成。





» **03** 隱藏教材/活動

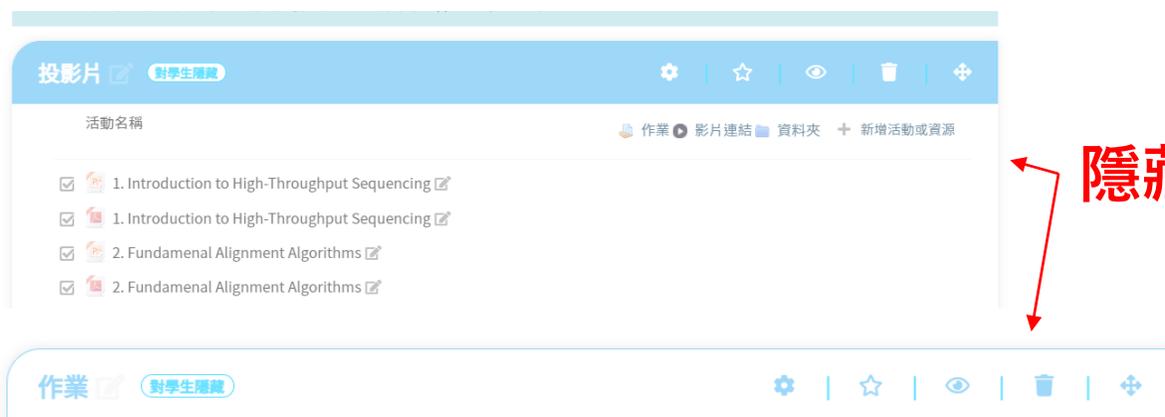
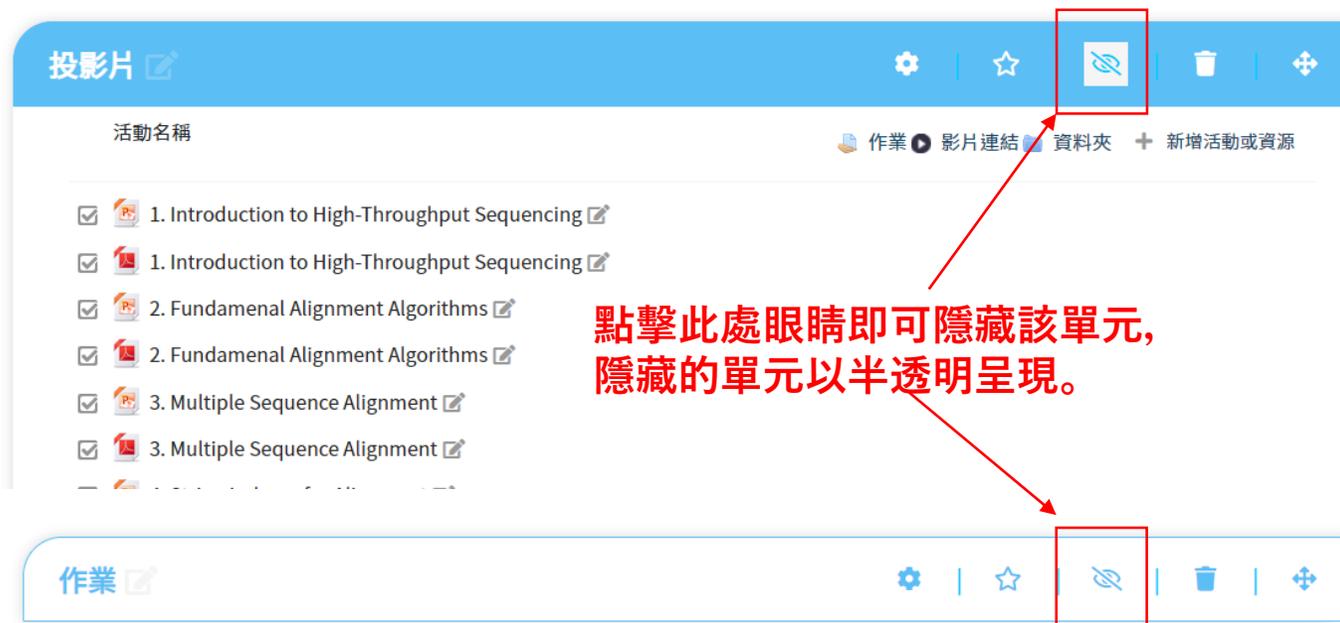
# 隱藏教材/活動

有時候會希望不要一次將所有教材讓學生看到，則可以參考此部分教學隱藏單元或教材/活動

隱藏教材有3種方法：

1. 隱藏一整個單元，隱藏單元對學生的顯示方式有兩種
  1. 學生看的到有該單元，但無法查看內容
  2. 學生完全看不到
2. 隱藏單一個教材/活動，學生會完全看不到該資源。
3. 批次隱藏。

## 方法1: 隱藏整個單元



# 方法1: 隱藏單元

有幾個方式隱藏:

1. 隱藏整個單元
2. 隱藏單個教材或活動
3. 批次隱藏

預設: 學生可看到該單元, 但無法查看內容。

# 方法1: 隱藏單元

預設學生可看到該單元, 但無法查看內容, 若希望學生完全看不到, 可參考以下方式調整。

1. 點選課程主頁面右上角齒輪
  2. 點選“修改設定”
  3. 展開“課程格式”
  4. 將“隱藏的單元”設為“隱藏的單元是完全看不到的”
  5. 按下“儲存並顯示”回到課程。
- 完成以上設定後, 學生就看不到該單元了。

投影片 無法使用

這個單元受到限制, 直到您符合條件前都無法查看。

作業 無法使用

課程格式

檢視角色 選擇角色



修改設定

課程完成進度

格式



有公佈欄的主題開圖格式

單元數量

2

隱藏的單元



隱藏的單元以摺疊的方式呈現

隱藏的單元以摺疊的方式呈現

課程編排



隱藏的單元是完全看不到的

調整設定後, 學生即完全無法看到該單元

課程內容

點擊每個單元的標題空白處可以展開或是收合單元, 展開時可以看到“活動名稱”字樣。



## 方法2: 以單個教材或活動來隱藏

投影片

活動名稱

作業 影片連結 資料夾 + 新增活動或資源

1. Introduction to High-Throughput Sequencing

1. Introduction to High-Throughput Sequencing

滑鼠移至教材名稱上，即會出現後方選項，  
點擊此處眼睛即可隱藏該教材或活動  
隱藏的活動icon以半透明呈現。

作業

活動名稱

作業 影片連結 資料夾 + 新增活動或資源

期末報告論文與投影片

投影片

活動名稱

作業 影片連結 資料夾 + 新增活動或資源

1. Introduction to High-Throughput Sequencing 對學生隱藏

作業

活動名稱

作業 影片連結 資料夾 + 新增活動或資源

期末報告論文與投影片 對學生隱藏

隱藏後

作業

活動名稱

+ 新增活動或資源

隱藏後，學生端看不到  
該教材/活動

# 方法2: 隱藏 教材/活動

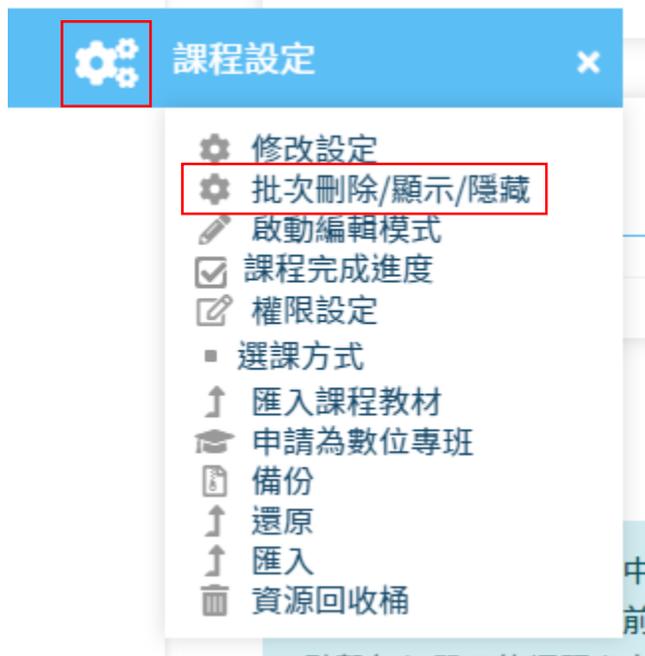
有幾個方式隱藏:

1. 以單元為單位來隱藏
2. 以單個教材或活動來隱藏
3. 批次隱藏

隱藏的教材/活動，學生端完全無法看到。



## 方法3: 批次隱藏



# 方法3: 批次隱藏

有幾個方式隱藏:

1. 隱藏整個單元
2. 隱藏單個教材或活動
3. 批次隱藏

批次隱藏:

1. 點選課程設定
2. 點選“批次刪除/顯示/隱藏”

**選取所有單元** 點此可以選取所有單元

全選此單元活動資源

討論區 - Announcement 公佈欄  選取

出缺席紀錄 - Attendance 出缺席  選取

討論區 - General forum 綜合討論區  選取

**單元 - 投影片**  選取此單元

**點此可以選取整個單元**

**點此可以選取此單元內所有的教材/活動**

全選此單元活動資源

檔案 - 1. Introduction to High-Throughput Sequencing  選取

檔案 - 1. Introduction to High-Throughput Sequencing  選取

檔案 - 2. Fundamenal Alignment Algorithms  選取

**可單一勾選要隱藏的教材/活動**

檔案 - 2. Fundamenal Alignment Algorithms  選取

檔案 - 3. Multiple Sequence Alignment  選取

檔案 - 3. Multiple Sequence Alignment  選取

檔案 - 4. String Indexes for Alignment  選取

檔案 - 5. Assembly Graphs  選取

影片連結 - 5. de Bruijn graph assembly  選取

影片連結 - 6. Overlap Graph Assembly  選取

檔案 - 6. Overlap Graph-minimizer for minimap  選取

單元 - 作業  選取此單元

全選此單元活動資源

**隱藏的單元以半透明呈現**

作業 - 期末報告論文與投影片  選取

針對被選定的活動

# 方法3: 批次隱藏

批次隱藏:

3. 勾選欲隱藏的單元或教材/活動



# 方法3: 批次隱藏

批次隱藏:

4. 針對被選定的活動改為“隱藏”
5. 點選“儲存變更”



# 方法3: 批次隱藏

批次隱藏:

6. 確認是否為“隱藏”，及項目是否正確。
7. 點選“繼續”
8. 完成後再次點選“繼續”回到課程
9. 完成

**確認**

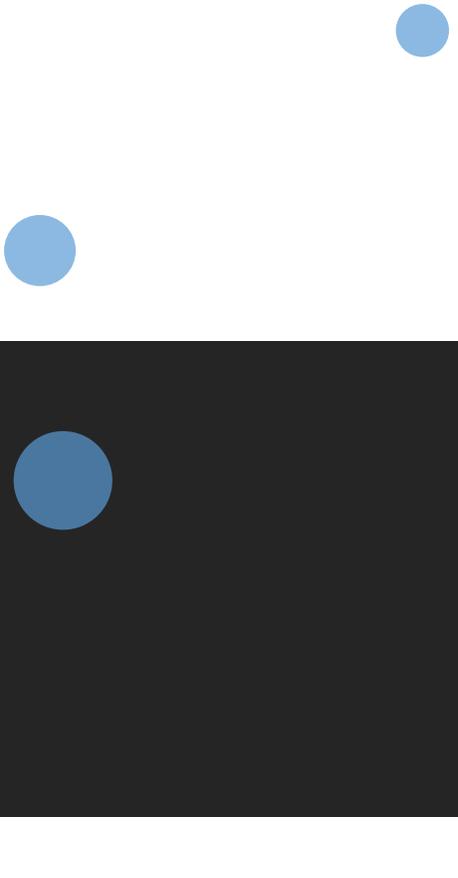
您確定要隱藏以下所有活動以及資源或是單元嗎?

- 檔案: 10. Overlap vs de Bruijn assembly
- 檔案: Long-read human genome sequencing and its applications

成功隱藏 - Long-read human genome sequencing and its applications

成功隱藏 - 10. Overlap vs de Bruijn assembly

完成所有工作，按繼續回到課程頁面



# » 04 刪除教材/活動

# 刪除教材/活動

---

若有不要的單元或教材/活動，則可進行刪除。

刪除教材有3種方法：

1. 刪除一整個單元
2. 刪除單一個教材/活動
3. 批次刪除

## 方法1: 刪除整個單元



確認

你是否真的確定你要完全刪除"作業" 和它所包含的所有活動？

刪除 取消

# 方法1: 刪除單元

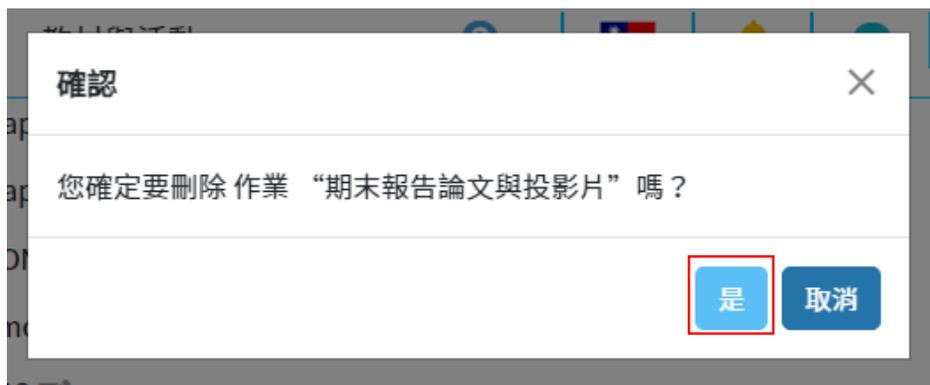
有幾個方式刪除:

- 1.刪除整個單元
- 2.刪除單個教材或活動
- 3.批次刪除

刪除整個單元:

1. 點選單元標題後方的垃圾桶
2. 確認無誤後, 按下"刪除"
3. 完成

## 方法2: 刪除單個教材/活動



# 方法2:刪除 教材/活動

有幾個方式刪除:

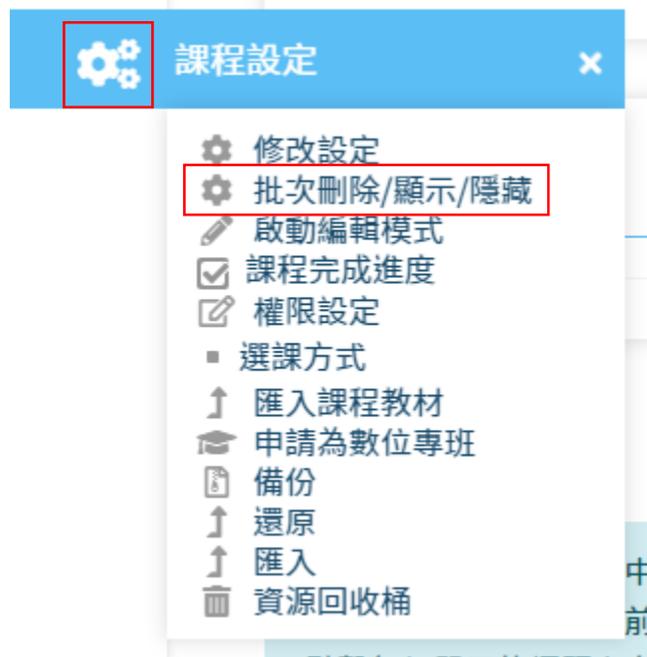
- 1.刪除整個單元
- 2.刪除單個教材或活動
- 3.批次刪除

刪除教材/活動:

1. 滑鼠移至該教材/活動
2. 點選後方垃圾桶
3. 按下“是”確認刪除
4. 完成



## 方法3: 批次刪除



# 方法3: 批次刪除

有幾個方式刪除:

1. 刪除整個單元
2. 刪除單個教材或活動
3. 批次刪除

批次刪除:

1. 點選課程設定
2. 點選“批次刪除/顯示/隱藏”

**選取所有單元**

全選此單元活動資源

討論區 - Announcement 公佈欄  選取

出缺席紀錄 - Attendance 出缺席  選取

討論區 - General forum 綜合討論區  選取

**單元 - 投影片**  選取此單元

**全選此單元活動資源**

檔案 - 1. Introduction to High-Throughput Sequencing  選取

檔案 - 1. Introduction to High-Throughput Sequencing  選取

檔案 - 2. Fundamenal Alignment Algorithms  選取

檔案 - 2. Fundamenal Alignment Algorithms  選取

檔案 - 3. Multiple Sequence Alignment  選取

檔案 - 3. Multiple Sequence Alignment  選取

檔案 - 4. String Indexes for Alignment  選取

檔案 - 5. Assembly Graphs  選取

影片連結 - 5. de Bruijn graph assembly  選取

影片連結 - 6. Overlap Graph Assembly  選取

檔案 - 6. Overlap Graph-minimizer for minimap  選取

單元 - 作業  選取此單元

全選此單元活動資源

作業 - 期末報告論文與投影片  選取

針對被選定的活動

點此可以選取所有單元

點此可以選取整個單元

點此可以選取此單元內所有的教材/活動

可單一勾選要刪除的教材/活動

隱藏的教材/活動以半透明呈現

# 方法3: 批次刪除

批次刪除:

3. 勾選欲刪除的單元或教材/活動



# 方法3: 批次刪除

批次刪除:

4. 針對被選定的活動設為“刪除”
5. 點選“儲存變更”



# 方法3: 批次刪除

批次刪除:

6. 確認是否為“刪除”，及項目是否正確。
7. 點選“繼續”
8. 完成後再次點選“繼續”回到課程
9. 完成

### 確認

您確定要刪除以下所有活動以及資源或是單元嗎？

📁 檔案：Long-read human genome sequencing and its applications

成功刪除 - Long-read human genome sequencing and its applications

完成所有工作，按繼續回到課程頁面

» 05

其他

# 其他

## 其他開課後會需要進行的操作

以下操作皆請查看“[教師及助教使用手冊](#)”中的教學

1. 上傳課程大綱: “課程管理”單元中“[課程大綱](#)”文件
2. 設定助教、旁聽生: “課程管理”單元中“[成員管理\(新增助教與旁聽生\)](#)”文件
3. 選課結束後併班上課: “課程管理”單元中“[併班上課](#)”文件

“[教師及助教使用手冊](#)”中提供各種功能教學及FAQ，還請多加參考，謝謝!

**Thanks**